大腸菌 RNA 結合タンパク質 Hfq による遺伝子発現制御機構の解析

和地 正明

(東京工業大学大学院生命理工学研究科 生物プロセス専攻)

研究の目的

大腸菌のエンド型リボヌクレアーゼ RNase E は rRNA や tRNA といった機能性 RNA の成熟や mRNA の分解、細胞分裂タンパク質をコードする ftsZ mRNA のプロセシング に関わっており、大腸菌の生育に必須である。RNase E の機能は RNA 結合タンパク質 Hfq によって制御されている。このような RNase や RNA 結合タンパク質を介した転写後の発現制御機構をタンパク質生産技術に応用するために、本研究では、RNase E によって触媒される RNA 切断反応における Hfq タンパク質の役割を明らかにすることを目的とした。

方法

本研究では、*E. coli* K-12 株HAT100 [F *ara* $\Delta(lac-pro)$ *thi zce-726::*Tn10] 、HAT103 (the same as HAT100 but *rne-1*)、 HAT113 (the same as HAT100 but *rne-1 hfq10::cat*) を用いた。 それぞれの一夜培養液を希釈して寒天培地上に塗布し、30 、40.5 、42 で増殖の温度感受性を調べた。野生株、*rne-1* 変異株、*rne-1 hfq::cat*二重変異株より細胞内全RNAを抽出し、改変アガロースゲル電気泳動法及びノーザンハイブリダイゼーションにより、16S rRNA、5S rRNA、tRNA Phe 、*ftsZ* mRNAの成熟に対する*hfq::cat*変異の影響を調べた。 抗FtsZ抗体を用いたウエスタンブロッティングによりFtsZタンパク質の合成に対する *hfq::cat*変異の影響を調べた。

結果

rme-1 変異株 HAT103 は、40.5 以上で増殖の温度感受性を示した。そこに hfq::cat 変異を導入したところ、増殖の温度感受性が 40.5 ではほぼ完全に、42 でも部分的に回復した(図)。このことは、Hfq タンパク質が RNase E が関与する必須な反応に関わっていることを示唆している。

RNase Eは機能性RNAの成熟に関与しているため、我々はまず、16S rRNA、5S rRNA、tRNA^{Phe}の成熟に対する*hfg::cat*変異の影響を調べた。*rne-1* 変異株では、40.5 ではこれ

らのRNA分子の前駆体が検出されるようになり、42 ではさらにその量が増大した。 *hfq::cat*変異の導入はこれらのRNA分子の成熟にはほとんど影響を与えなかった。このことはHfqタンパク質がこれらの機能性RNA分子の成熟反応には関与していないことを示している。

次に、ftsZ mRNA のプロセシングに対する hfq::cat 変異の影響を調べた。rne-1 変異株では、40.5 及び 42 において、前駆体 mRNA の蓄積が見られた。hfq::cat 変異は、これらの前駆体 mRNA のプロセシングに対してもほとんど影響を与えなかった。続いて、FtsZ タンパク質の合成を抗 FtsZ 抗体を用いたウエスタンブロッティングによって調べたところ、rne-1 変異株で顕著に減少していた FtsZ タンパク質の量が、hfq::cat 変異の導入によって親株レベルにまで回復した。これらのことから、hfq::cat 変異は前駆体mRNA のプロセシングには影響を与えずに、そこからの翻訳を回復させることが示された。

結論

我々はrne-1 変異株の増殖の温度感受性がhfq::cat変異の導入によって抑制されることを見い出した。hfq::cat変異は、16S rRNA、5S rRNA、tRNA Phe、ftsZ mRNAの前駆体RNA分子のプロセシングには影響を与えずに、前駆体ftsZ mRNAからの翻訳を回復させた。これらのことから、RNase E変異株の致死性は、細胞分裂タンパク質FtsZの合成低下によるものであることが示唆された。本研究により、細菌におけるmRNAのプロセシングとRNA結合タンパク質による翻訳制御を介した新たなタンパク質の発現制御機構の存在が明らかとなった。このような転写後のタンパク質発現制御機構は、これまでに開発されてきた転写制御によるタンパク質生産技術と組み合わせて利用することができるため、既に工業生産レベルで利用されているような系への導入も可能であると思われる。

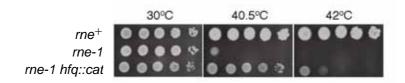


図 hfq::cat 変異による rne-1 変異株の温度感受性の抑制